

НАУЧНО-ПРАКТИЧЕСКАЯ ШКОЛА PCR & SEQUENCING COMMUNITY (PISC)

7-11 сентября 2026 года | ПОНЕДЕЛЬНИК-ПЯТНИЦА | 10:00 - 18:30

Московский клинический научный центр им. АС. Логинова
г. Москва, ул. Новогиреевская, дом 1, корпус 1

ПРОГРАММА

7 сентября

10:00-16:00 Теоретическая часть

8 сентября

10:15-18:30 «Подготовка NGS-библиотек для таргетного секвенирования методом гибридизации и секвенирование на платформе DNBSEQ-E25»

10:15-18:30 «5' анализ транскриптома единичных клеток с использованием секвенатора длинных прочтений Нанопорус Про»

9 сентября

10:00-18:30 «Подготовка NGS-библиотек для таргетного секвенирования методом гибридизации и секвенирование на платформе DNBSEQ-E25»

10:00-18:30 «5' анализ транскриптома единичных клеток с использованием секвенатора длинных прочтений Нанопорус Про»

10 сентября

10:00-18:30 «Молекулярно-генетические исследования цоДНК при HER2- РМЖ»

10:00-18:30 «Выделение ДНК из образцов крови на роботизированной станции и подготовка полногеномных библиотек с UMI адаптерами»

11 сентября

10:00-18:30 «Молекулярно-генетические исследования цоДНК при HER2- РМЖ»

10:00-18:30 «Подготовка библиотек для NGS из ДНК и/или РНК - образцов»

7 сентября 2026 года

День 1

10:00-10:10 Церемония открытия

Бодунова Наталья Александровна, заведующий центром персонализированной медицины ГБУЗ «Московский клинический научно-практический центр имени А.С. Логинова ДЗМ», руководитель Московского городского медико-генетического центра

10:10-10:50 Пленарная лекция

Больше чем просто геном: транскриптомные исследования в медицинской диагностике

Гусев Олег Александрович, ООО Лифт Центр, г. Москва

10:50-12:50

Теория (часть 1)

Модераторы:

Абрамов Иван Сергеевич, биолог ГМГЦ МКНЦ имени Логинова

10:50-11:10 Разработка и оптимизация протокола выделения и подготовки внеклеточной ДНК для проведения высокопроизводительного секвенирования

Трусов Никита Вячеславович, научный сотрудник лаборатории протеомного анализа ФГБУ ФНКЦ ФХМ им. Ю.М. Лопухина ФМБА России

11:10-11:30 цоДНК в современной диагностике

Абрамов Иван Сергеевич, м.н.с., биолог ГМГЦ МКНЦ имени Логинова

11:30-11:50 Адаптация таргетного нанопорового секвенирования с использованием технологии AC для быстрой классификации опухолей ЦНС

Семушин Максим Андреевич, врач-патологоанатом НМИЦ Нейрохирургии им. ак. Н. Н. Бурденко

11:50-12:10 От усреднённого сигнала до пространственного контекста: три уровня транскриптомного анализа с DNBSEQ

Должникова Мария Алексеевна, руководитель направления NGS, Компания Хеликон

12:10-12:30 Молекулярное профилирование цоДНК методом высокопроизводительного секвенирования: диагностические и клинические возможности

Лисица Татьяна Сергеевна, ФГБУ "НМИЦ онкологии им. Н.Н. Блохина" Минздрава России

12:30-12:50	Применение искусственного интеллекта в современной онкологии. Польза и риски Худова Ирина Юрьевна, к.м.н., заместитель руководителя по аналитике ВШОУЗ, MBA Durham University
12:50-13:50	Перерыв
13:50-15:50 Теория (часть 2) Модераторы: Абрамов Иван Сергеевич, м.н.с., биолог ГМГЦ МКНЦ имени Логинава	
13:50-14:10	Первый опыт подбора персонифицированной терапии для рефрактерных форм лейкоза на основе данных РНК-секвенирования единичных клеток Волчков Егор Васильевич, врач-гематолог отделения онкогематологии НМИЦ ДГОИ им. Д. Рогачева, н.с. лаборатории биологии единичных клеток РУДН, научный сотрудник ММНКЦ им. С.П. Боткина
14:10-14:30	Поиск происхождения аденокарцином с помощью транскриптомики единичных клеток Максимов Денис Олегович, м.н.с. лаборатории геномного редактирования МФТИ
14:30-14:50	Молекулярная хронология регенерации: как данные scRNAseq определяют окна для терапевтического вмешательства Тычинин Дмитрий Игоревич, с.н.с. Научного Центра "LIFT"
14:50-15:10	Опыт применения комплексных NGS-панелей в онкодиагностике Романюк Дмитрий Сергеевич, заведующий лабораторией клеточной и геномной терапии научно-исследовательского отдела молекулярной биологии и экспериментальной терапии опухолей, РНЦРР
15:10-15:30	Совместный анализ single-cell и bulk транскриптомики как подход к изучению межпациентной гетерогенности и механизмов метастазирования Максимов Денис Олегович, м.н.с. лаборатории геномного редактирования МФТИ
15:30-15:50	Опыт применения высокопроизводительных методов в исследованиях онкологических заболеваний ЦНС Цапкова Лариса Александровна, к.б.н., с.н.с. лаборатории онкогенетики и наследственных заболеваний МКНЦ имени Логинава
15:50-16:00	Завершение первого дня конференции, заключительное слово

8 сентября 2026 года

День 2

10:00-18:30

«Секция практической школы по dPCR, single-cell технологиям»

10:00-10:15	Вступительное слово, приветствие участников практической школы, распределение участников по направлениям и кабинетам
10:15-18:30	Подготовка NGS-библиотек для таргетного секвенирования методом гибридизации и секвенирование на платформе DNBSEQ-E25 Компания Хеликон, г. Москва
10:15-18:30	5' анализ транскриптома единичных клеток с использованием секвенатора длинных прочтений Нанопорус Про Компания Скайджин, г. Москва

9 сентября 2026 года

День 3

10:00-18:30

«Секция практической школы по dPCR, single-cell, NGS технологиям»

10:00-18:30	Подготовка NGS-библиотек для таргетного секвенирования методом гибридизации и секвенирование на платформе DNBSEQ-E25 Компания Хеликон, г. Москва
10:00-18:30	5' анализ транскриптома единичных клеток с использованием секвенатора длинных прочтений Нанопорус Про Компания Скайджин, г. Москва

10 сентября 2026 года

День 4

10:00-18:30

«Секция практической школы по dPCR, single-cell, NGS технологиям»

10:00-18:30	Молекулярно-генетические исследования цоДНК при HER2- ПМЖ Компания Глювекс/Амой, г. Москва
10:00-18:30	Выделение ДНК из образцов крови на роботизированной станции и подготовка полногеномных библиотек с UMI адаптерами Компания Genterra, г. Москва

11 сентября 2026 года

День 5

10:00-17:15

«Секция практической школы по dPCR, single-cell, NGS технологиям»

10:00-18:30	Молекулярно-генетические исследования цоДНК при HER2- РМЖ Компания Глювекс/Амой, г. Москва
10:00-18:30	Подготовка библиотек для NGS из ДНК и/или РНК - образцов Компания Синтол, г. Москва
18:30	Заккрытие конференции

От усреднённого сигнала до пространственного контекста

Полнотранскриптомное секвенирование и анализ экспрессии генов

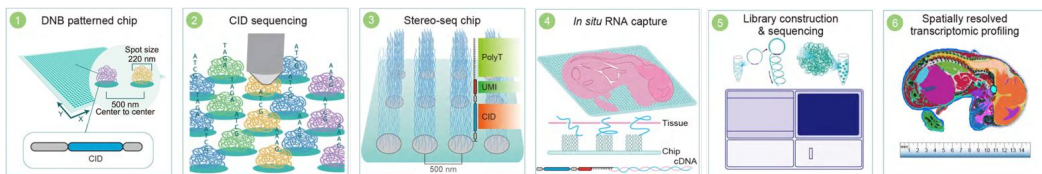
Набор **MGIEasy Fast RNA Library Prep Set** для подготовки РНК-библиотек

- > 10 нг – 1 мкг тотальной РНК на вход.
- > Сохранение информации об ориентации исходных цепей.
- > Синтез второй цепи кДНК и репарация концов в одну стадию.

Секвенирование РНК единичных клеток

- > Высочайшая точность данных за счёт **технологии Multi-Beads** для двойного баркодирования капель.
- > Наборы **DNBelab C Series High-throughput Single-cell RNA Library Preparation Set** для 3'- и 5'-scRNAseq.
- > Подготовка от 1 до 4 образцов за запуск на генераторе капель **DNBelab C-TaiM 4**.
- > **Бесплатное ПО C4 Tools** для интерпретации данных.

Пространственная транскриптомика с технологией Stereo-seq



Stereo-seq – единственная технология в мире, которая одновременно обеспечивает разрешение на уровне субклеточных структур (500 нм) и огромное поле зрения (до 169 см²).

- > Высокое разрешение – расстояние между точками захвата транскриптов на чипе – 500 нм.
- > Широкая линейка чипов от 0,5 x 0,5 см до 13 x 13 см.
- > Видонезависимость – технология уже адаптирована для 50 видов, и список постоянно расширяется.
- > Наборы для свежемороженых (FF) и FFPE-образцов.

Исследование	Тип образца	Количество прочтений (млн) на образец	T1+ 2 яч./запуск	G400 2 яч./запуск	T7 4 яч./запуск	T7+ 4 яч./запуск
Секвенирование транскриптома	—	25 M / 6 Гб	68 об./ячейка 136 об./запуск	62 об./ячейка 124 об./запуск	198 об./ячейка 792 об./запуск	384 об./ячейка 1536 об./запуск
Секвенирование РНК единичных клеток	10 000 клеток	600 M	2 об./ячейка 4 об./запуск	2 об./ячейка 4 об./запуск	8 об./ячейка 32 об./запуск	16 об./ячейка 64 об./запуск
Пространственная транскриптомика	FF (Fresh Frozen)	1000 M	2 об./ячейка 4 об./запуск	1 об./ячейка 2 об./запуск	4 об./ячейка 16 об./запуск	10 об./ячейка 40 об./запуск
	FFPE	3000 M	—	—	1 об./ячейка 4 об./запуск	3 об./ячейка 12 об./запуск



BioPerfectus SSNP-2000B
Станция для выделения
нуклеиновых кислот

Нанопорус и P2Solo
и нанопоровые
секвенаторы

SeekOne DD®
Секвенатор анализа
единичных клеток

Образец



Выделение
ДНК/РНК



Секвенирование
до 3 поколения



Анализ
данных



Сервисная
поддержка



SkyGen — дистрибьютор реагентов и оборудования для клеточной и молекулярной биологии, генетики и молекулярной диагностики.

С 2012 года мы работаем с лабораториями научно-исследовательских институтов, агробиологических центров и университетов. Помогаем решать исследовательские и прикладные задачи в области биотехнологии, селекции, генетики растений и микроорганизмов.

Мы поставляем реагенты, расходные материалы и лабораторное оборудование ведущих мировых производителей. При этом наша работа не заканчивается поставкой: специалисты SkyGen помогают подобрать оборудование и реагенты под конкретную задачу, оценить их совместимость, внедрить решение в лабораторный процесс и разобраться с вопросами, которые возникают в ходе работы.

SkyGen

Научная поддержка: science@skygen.com
Отдел заказов: sales@skygen.com

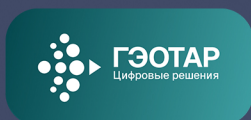
НАУЧНЫЕ ОРГАНИЗАТОРЫ



СПОНСОРЫ



ПАРТНЕРЫ



ТЕХНИЧЕСКИЙ ОРГАНИЗАТОР

КОНФЕРЕНЦИИ
ПРО

INFO@CONFERENC.PRO

8 909 955 25 55